

大会プログラム

Program for SESJ2024

8月21日(水) 東海大学湘南キャンパス August 21 (Wednesday) Tokai University Shonan campus

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) * |
|---------------|---|---|---|---|--|
| 10:30 ~ 11:30 | | O1 口頭発表 (座長: 蘇 智慧) | O2 口頭発表 (座長: 榊原 恵子) | O3 口頭発表 (座長: 今西 規) | O4 Oral presentation (Chair: Tomoaki Murakami) |
| | | O1-1 絶対送粉共生系における共進化・共種分化機構の解明. 蘇智慧 ^{1*} , 岡本 朋子 ² (1JT 生命誌研究館, 2岐阜大学) | O2-1 食虫植物における塩酸分泌能力の進化. 福島 健児 ^{1*} (1遺伝研) | O3-1 現代日本人における縄文顔と弥生顔に関するゲノム多型. 今西 規 ^{1*} , 大谷内 梨聖 ¹ (1東海大学) | O4-1 The double-edged effect of environmental fluctuations on evolutionary rescue. Shota Shibasaki ^{1*} , Masato Yamamichi ¹ (1National Institute of Genetics) |
| | | O1-2 Genetic differentiation of <i>Lagopus muta</i> in Japan. 長太 伸章 ^{1*} , 杉田 典正 ² , 亀田 勇一 ¹ , 西海 功 ¹ (1国立科学博物館, 2東京大学) | O2-2 ヒメミカツキモ BELL 遺伝子の接合胞子発芽における役割. 専田 梨瑛子 ¹ , 川井 絢子 ¹ , 秋吉 信宏 ¹ , 西山 智明 ² , 小竹 敬久 ³ , 関本 弘之 ⁴ , 榊原 恵子 ^{1*} (1立教大学, 2金沢大学, 3埼玉大学, 4日本女子大学) | O3-2 琉球列島におけるヒト集団形成史の再構築. 小金淵 佳江 ^{1,2*} , 松波 雅俊 ² , 今村 美菜子 ^{2,3} , 河合 洋介 ⁴ , 人見 祐基 ^{4,5} , 徳永 勝士 ⁴ , 前田 士郎 ^{2,3} , 石田 肇 ² , 木村 亮介 ² (1東京大学, 2琉球大学, 3琉球大学病院, 4国際医研セ, 5星薬科大学) | O4-2 Transmission creates conspicuity in the polarization signal of cuttlefish courtship. Arata Nakayama ^{1*} , Shinya Yoshioka ² , Ryosuke Ohnuki ² , Nobuhiro Ogawa ¹ , Toshihiko Kushihiki ³ , Noriyosi Sato ⁴ , Tomohiko Kawamura ¹ , Yoko Iwata ¹ (1Univ Tokyo, 2Tokyo Univ Science, 3Aquarium Asamushi, 4Tokai Univ) |
| | | O1-3 DNA バーコーディングによる日本産アメフラシ科の多様性解析. 荻原 弘羽 ^{1*} , 朝川 毅守 ¹ (1千葉大学) | O2-3 行動の変化が引き起こした蝶の地衣類擬態の進化. 鈴木 誉保 ^{1*} , 富田 修一郎 ² , 瀬筒 秀樹 ^{1,2} (1東京大学, 2農研機構) | O3-3 ネアンデルタール人ゲノムにみられる IQ 関連遺伝子座群における適応進化の痕跡. 森谷 悠香 ^{1*} , 手島 康介 ¹ , 早川 敏之 ¹ (1九州大学) | O4-3 Detection of mutations involved in color ornamentation polymorphism in the guppy, <i>Poecilia reticulata</i> , by GWAS meta-analysis. Mayuko Kawamoto ^{1,3*} , Yuna Uchida ¹ , Yuu Ishii ² , Asano Ishikawa ³ , Masakado Kawata ¹ (1Tohoku Univ, 2Kyoto Univ, 3Univ Tokyo) |
| | | O1-4 モルビリウイルス受容体 SLAM の祖先型配列予測. 兵藤 歩 ^{1*} , 関 文緒 ² , 竹田 誠 ¹ (1東京大学, 2感染研) | O2-4 ショウジョウバエがもつ水玉模様の形成にモルフォゲンの発現は必要なのか? 古関 将斗 ^{1*} , 越川 滋行 ¹ (1北海道大学) | O3-4 種内ゲノム比較による適応/有益変異の大量検出. 小林 一三 ^{1,2,3,4,5*} , 坂本 貴洋 ⁶ , 西出 浩世 ⁵ , 内山 郁夫 ⁵ , 印南 秀樹 ⁶ , HpGP Research Network (Constanza Camargo, Charles Rabkin) ⁷ , 長田 直樹 ⁸ (1東京大学, 2杏林大学, 3パリ大学, 4法政大学, 5基生研, 6総合研究大学院大学, 7NCI, 8北海道大学) | O4-4 Parallel evolution in the hind limb skeletons of theropod dinosaurs and insights into phylogenetic and spatiotemporal constraints in the evolution of ankle articulations. Kohta Kubo ^{1,2*} , Yoshitsugu Kobayashi ³ (1Univ Tokyo, 2Hokkaido Univ, 3Hokkaido University Museum) |
| 12:45 ~ 14:45 | <p>プレナリー講演 1 (2号館 2S-101 室) Prenary talk 1 (Room 2S-101, Building No.2)</p> <p>Chair: So Nakagawa (Tokai Univ)</p> <p>To understand human infectious diseases - the evolution of pathogens and host immune responses -</p> <p>Inferring dominant selective forces shaping the evolution of pathogens across space and time Hsiao-Han Chang (National Tsing Hua Univ)</p> <p>Evolutionary and genomic aspects of modern diseases Ituro Inoue (National Institute of Genetics)</p> | | | | |

(注) 各発表者の所属について、詳細はそれぞれの要旨を参照してください。ここでは同じ機関(大学など)に所属する場合、異なる部署に所属するものも一つの機関にまとめて記載しています。
 Please refer the abstracts shown later for the details of authors' affiliations.
 *口頭発表賞審査対象 *Presentations by oral presentation award applicants.

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) * |
|---------------|---|--|--|---|---|
| 15:00 ~ 17:00 | S1 Frontiers of Cultural Evolution Research: Approaches from Physics, Informatics, and Cognitive Science (Chair: Kohei Tamura) | W1 完新世の地球科学と進化学 (座長: 岸田 拓土, 三澤 計治) | S2 分子進化の中立説の過去・現在・未来 (座長: 峯田 克彦) | O5 口頭発表 (座長: 渡邊 日出海、西原 秀典) | O6 Oral presentation (Chair: Daisuke Koyabu, Takao Suzuki) |
| | S1-1 Evolution of kinship structures driven by marital interactions. Kenji Itao ^{1*} (RIKEN) | W1-1 名古屋大学 AMS 炭素 14 年代測定の現状と完新世研究への応用. 北川 浩之 ^{1*} (名古屋大学) | S2-1 SINE 法の過去・現在・未来. 岡田 典弘 ^{1*} (北里大学) | O5-1 定量的組換え検出法の開発とアデノウイルスゲノムへの応用. 渡邊 日出海 ^{1*} (北海道大学) | O6-1 Developmental origin of syringeal muscles in birds: Insights into the switching process of the sound source in archosaurs. Taro Nojiri ^{1*} , Yasuko Tobar ² , Lam Quang Ngoc ³ , Toshiko Furutera ¹ , Masaki Takechi ¹ (Juntendo Univ, ² Azabu Univ, ³ Can Tho Univ) |
| | S1-2 Inference of microscopic processes of art style evolution. Eita Nakamura ^{1*} (Kyushu Univ) | W1-2 過去を解き明かす: 完新世を用いた堆積環境の変化の高精度解析. 中西 利典 ^{1*} (ふじみユー) | S2-2 文化と無限座位モデル. 青木 健一 ^{1*} (東京大学) | O5-2 祖先転写制御の実験的復元に基づく遺伝子が生まれる・消える過程の解明. 原 雄一郎 ^{1,2*} , 吉沢 直子 ² , 豊田 敦 ³ , 川路 英哉 ² (北里大学, ² 都医学研, ³ 遺伝研) | O6-2 Subfunctionalization of keratan sulfate galactosyl-6-sulfotransferase genes illustrates developmental modularity and evolutionary novelty of notochord and otic vesicles in vertebrates. Yuuri Yasuoka ^{1*} (RIKEN) |
| | S1-3 Empirical studies on the geographic variation of cultural traits. Yuri Nishikawa ^{1*} (Tokai Univ) | W1-3 日本沿岸におけるイルカ類の集団構造の変遷. 岸田 拓土 ^{1*} (日本大学) | S2-3 木村資生の世界観と大野乾的生命観の対比. 五條堀 孝 ^{1,2,3,4*} (KAUST, ² MaOI, ³ NCKU, ⁴ 遺伝研) | O5-3 Sox2 が結合する転移因子配列の細胞分化における機能. 西原 秀典 ^{1*} (近畿大学) | O6-3 Toward understanding the molecular mechanism behind heterochrony of groove meristem by single-nucleus RNA-seq analysis. Shunji Nakamura ^{1*} , Hiroyuki Koga ¹ , Hokuto Nakayama ¹ , Hirokazu Tsukaya ¹ (Univ Tokyo) |
| | S1-4 Cognitive and psychological effects on technological evolution: laboratory-based experiments using the virtual arrowhead task. Yo Nakawake ^{1*} (JAIST) | W1-4 古代のメタゲノムデータから探索する古代ウイルス・細菌. 西村瑠佳 ^{1*} , 井ノ上逸朗 ² (東京大学, ² 遺伝研) | S2-4 木村資生先生と根井正利先生. 斎藤 成也 ^{1*} (遺伝研) | O5-4 "Para-Para": Genomic Analyses of Shell Matrix Proteins in <i>Nautilus pompilius</i> Reveal the Paradoxical Fate of Paralog Usage in Mollusks. スティアマ ルガ デフィン ^{1*} , 廣田 主樹 ² , 吉田 真明 ³ (和歌山工業高等専門学校, ² 東京大学, ³ 島根大学) | O6-4 Biological and nutritional roles of bacteriocytes, urocytes, and adipocytes in the fat body of the German cockroach <i>Blattella germanica</i>. Tomohito Noda ^{1,2*} , Tomonari Nozaki ³ , Minoru Moriyama ² , Shuji Shigenobu ³ , Takema Fukatsu ^{1,2,4} (Univ Tokyo, ² AIST, ³ National Institute for Basic Biology, ⁴ Univ Tsukuba) |
| | | W1-5 我々は進化を目撃した…新型コロナウイルスの事例. 三澤 計治 ^{1,2*} (横浜市立大学, ² 理研) | S2-5 集団遺伝学と分子進化学を活用して野生生物の多様性進化を解明する. 北野 潤 ^{1*} (遺伝研) | O5-5 卵保護魚類に共通した硬化卵膜の崩壊は繁殖戦略に進化的制約をもたらす. 長澤 竜樹 ^{1*} , 相原 光人 ¹ , 川口 眞理 ² , 安増 茂樹 ² , 二階堂 雅人 ¹ (東京工業大学, ² 上智大学) | O6-5 Similarity in gene expression variabilities among different types of perturbations in <i>Drosophila simulans</i>. Keita Saito ^{1,2*} , Saburo Tsuru ³ , Yuma Takahashi ¹ (Chiba Univ, ² RIKEN, ³ Univ Tokyo, ⁴ Graduate School of Science, Chiba University) |
| | | | S2-6 生命システムの設計図としてのゲノムの進化と中立説. 遠藤 俊徳 ^{1*} (北海道大学) | O5-6 高温センサーTRPV1 のサケ科における機能的制約の緩和と再強化の分子基盤. 齋藤 茂 ^{1*} , 齋藤 くれあ ¹ , 野澤 昌文 ² , 太田 利男 ³ , 富永 真琴 ⁴ (長浜バイオ大学, ² 東京都立大学, ³ 鳥取大学, ⁴ 名古屋市立大学) | O6-6 Microstructural observation and gene expression patterns in embryonic shell development of chambered nautilus. Kazuki Hirota ^{1,2*} , Takenori Sasaki ² , Setiamarga Davin ¹ , Masa-aki Yoshida ³ (NITWC, ² Univ Tokyo, ³ Shimane Univ) |
| | | | | O5-7 Relationships of major groups of Neoaves using site concordance factor. 竹崎 直子 ^{1*} (香川大学) | O6-7 Three-dimensional morphology of the lamprey larval head and its implications for early vertebrate oral evolution. Ken-ichiro Yoshimoto ^{1*} , Hirofumi Kariyayama ¹ , Motoki Tamura ¹ , Daisuke Koyabu ¹ , Akio Yoneyama ² , Kazuyuki Hyodo ³ , Keiichi Hirano ³ , Shigenori Nonaka ⁴ , Hiroki Higashiyama ⁵ , Tatsuya Hirasawa ⁶ , Daichi G. Suzuki ¹ (Univ Tsukuba, ² SAGA Light Source, ³ High Energy Accelerator Research Organization, ⁴ National Institute for Basic Biology, ⁵ SOKENDAI, ⁶ Univ Tokyo) |
| | | | | O6-8 Development of the basal joint in diapsid vertebrates and its implication to the evolution of cranial joints. Yuya Asakura ^{1*} , Tatsuya Hirasawa ¹ (Univ Tokyo) | |
| 17:00 ~ 18:00 | <p style="text-align: center;">ポスター発表 (14号館 地階) Poster presentation (Ground floor, Building No.14) コアタイム (17:00~ 17:30 奇数番号、17:30~ 18:00 偶数番号) Presentation time (17:00~ 17:30 and 17:30~ 18:00 for those with odd and even number, respectively)</p> | | | | |

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) * |
|---------------|---|--|-----------------|---|---|
| 10:30 ~ 11:30 | <p>W3 Diversification and evolution of animals in Sulawesi island, Wallacea (Chair: Hiroo Imai)</p> <p>W3-1 Introduction: the species diversity in Sulawesi. Yohey Terai^{1*} (¹SOKENDAI)</p> <p>W3-2 Into the Darkness: transcriptome insights into melanism evolution in Sulawesi endemic macaques. XiaoXiaochan Yan^{1*}, Yohey Terai², Kanthi Arum Widayati³, Akihiro Itoigawa⁴, Bambang Suryobroto³, Hiroo Imai¹ (¹Kyoto Univ, ²SOKENDAI, ³IPB Univ, ⁴Meiji Univ)</p> <p>W3-3 Evolution of bitter taste receptor TAS2R38 in Allopatric Species, Sulawesi Macaques. Kanthi Arum Widayati^{1,2*}, Yan Xiaochan², Nami Suzuki-Hashido³, Akihiro Itoigawa⁴, Fahri Fahri⁵, Yohey Terai⁶, Bambang Suryobroto¹, Hiroo Imai² (¹IPB Univ, ²Kyoto Univ, ³Chubu University, ⁴Meiji Univ, ⁵Tadulako Univ, ⁶SOKENDAI)</p> <p>W3-4 Diversification of ricefishes in fresh waters of Sulawesi. Ryo Kakioka^{1*}, Kazunori Yamahira¹ (¹Univ Ryukyus)</p> | <p>W2 さまよう遺伝子と宿主の進化: ウイルス・トランスポゾンからの視点 (座長: 北尾 晃一, 小出 りえ)</p> <p>W2-1 単孔類ゲノムにおける内在性レトロウイルスのダイナミックな進化. 北尾 晃一^{1*}, 中川 草² (¹名古屋大学, ²東海大学)</p> <p>W2-2 内在性ニマウイルス: 甲殻類ゲノムの反復領域に住まう者たち. Satoshi Kawato^{1*}, Kaoru Kaida², Wataru Suda², Shohei Kojima², Nicholas Parrish², Tomoyuki Okutsu³, Kyonoshin Maruyama³, Nobuhiro Takemae¹, Tsutomu Kageyama¹, Takuma Sugaya⁴, Motoshige Yasuike⁴, Ikuro Hirono⁵ (¹感染症研, ²理研, ³JIRCAS, ⁴水産研究・教育機構, ⁵東京海洋大学)</p> <p>W2-3 Immune response to endogenous human herpesvirus 6 in autoimmune disease patients. 小出 りえ^{1*}, 小嶋 将平¹, 佐々 暢亜^{1,2,3}, 岡田 随象^{1,2,3}, ニコラス パリッシュ¹ (¹理研, ²東京大学, ³大阪大学)</p> <p>W2-4 脊椎動物間で生じる転移因子水平伝播の地理的特異性と発生様式. 神林 千晶^{1*} (¹新潟大学)</p> | | <p>O7 口頭発表 (座長: 田村 浩一郎)</p> <p>O7-1 直翅目昆虫の遺伝子の分子進化. 里村 和浩^{1*}, 小倉 淳¹ (¹長浜バイオ大学)</p> <p>O7-2 実験的進化によるアカシヨウジョウバエの低温耐性に関する表現型とゲノムの変化. 井手 翼¹, 田村 珠雲¹, 小川 佳孝¹, 近藤 朋希¹, 田村浩一郎^{1*} (¹東京都立大学)</p> <p>O7-3 肺がんにおける抗がん剤耐性獲得の分子進化. 瀬戸 陽介^{1*}, 藤田 直也¹, 片山 量平¹ (¹がん研)</p> <p>O7-4 ヒト APOBEC3 遺伝子調節領域にみる免疫関連遺伝子の進化. 藤戸 尚子^{1,3}, Revathi Devi Sundaramoorthy¹, 颯田 葉子², 井ノ上 逸朗¹ (¹遺伝研, ²総合研究大学院大学, ³新潟大学)</p> | <p>O8 Oral presentation (Chair: Takashi Tsuchimatsu)</p> <p>O8-1 Multiple copy effect of somatic mutations enhances mutant establishment by overcoming loss by genetic drift. Sou Tomimoto^{1*}, Yoh Iwasa¹, Akiko Satake¹ (¹Kyushu Univ)</p> <p>O8-2 Individual termite movements reflect foraging strategy evolution. Kensei Kikuchi^{1*}, Nobuaki Mizumoto² (¹OIST, ²Auburn Univ)</p> <p>O8-3 Morphogenetic process underlying the rostral evolution of pseudosuchians: comparisons of evolutionary and developmental changes. Seishiro Tada^{1*}, Takanobu Tsuihiji^{2,3}, Lawrence M. Witmer⁴ (¹Fukui Prefectural Univ, ²National Museum of Nature and Science, ³Univ Tokyo, ⁴Ohio Univ)</p> <p>O8-4 Dynamic gene rearrangements of mitochondrial genome in the Subclass Octocorallia (Cnidaria: Anthozoa). Yuki Yoshioka^{1*}, Megumi Kanai², Shogo Gishitomi², Nana Arakaki¹, Tatsuki Koido³, Chuya Shinzato⁴, Jun Inoue⁴, Tomofumi Nagata², Noriyuki Satoh¹ (¹Okinawa Institute of Science and Technology Graduate Univ, ²Incorporated Foundation Okinawa Environment Science Center, ³Kuroshio Biological Research Foundation, ⁴Univ Tokyo)</p> |

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) * |
|---------------|---|--|---|---|--|
| 12:45 ~ 14:45 | <p>S3 Korean - Japanese joint society symposium (Chair: Naoki Irie, Daehan Lee)</p> <p>S3-1 Positive feedback between demographic and selective fluctuations can greatly amplify the random fluctuation of population size. Yuseob Kim^{1*} (¹Ewha Womans Univ)</p> <p>S3-2 Population genetics of phenotype. Hideki Innan^{1*}, (¹SOKENDAI)</p> <p>S3-3 Balancing selection in the genomics era. Kang-Wook Kim^{1*} (¹Ewha Womans Univ)</p> <p>S3-4 Experimental evolutionary approaches to symbiosis. Takema, Fukatsu^{1,2,3*} (¹AIST, ²Univ Tokyo, ³Univ Tsukuba)</p> <p>S3-5 <i>Drosophila sechellia</i>, a model system for Eco-Evo-Neuro-Devo. Daehan Lee^{1*}, Geon Park¹, Asfa Sabrin Borbora², Jérôme Mermet², Ambra Massuzo², Richard Benton² (¹Sungkyunkwan Univ, ²Univ Lausanne)</p> | <p>W4 多様なショウジョウバエから解明する進化のメカニズム (座長：平石 拓海, 柄澤 匠) (座長：平石 拓海, 柄澤 匠)</p> <p>W4-1 Research on specialization of forelegs found in <i>Drosophila prolongate</i>. 平石 拓海^{1*}, 坂井 貴臣¹, 朝野 維起¹ (¹東京都立大学)</p> <p>W4-2 ミズタマショウジョウバエを用いて新しい模様の進化を塩基配列レベルで理解する. 柄澤 匠^{1*}, 越川 滋行¹ (¹北海道大学)</p> <p>W 4-3 訪花するショウジョウバエを用いた花の認識の神経機構の解明. 桂 宗広^{1*}, 川村 康平¹, 藤井 航平¹, 蟻川 謙太郎², 木下 充代², 石川 由希¹ (¹名古屋大学, ²総合研究大学院大学)</p> <p>W4-4 オウトウショウジョウバエの産卵嗜好性研究及びショウジョウバエを対象としたフィールドワーク研究. 阿久津 純一^{1*} (¹大阪府堺市)</p> <p>W4-5 ノハラカオジロショウジョウバエ日本集団における生殖休眠の地理的変異. 藤近 敬子^{1*}, 高橋 文¹ (¹東京都立大学)</p> | <p>S4 日本から見た栽培植物の進化 (座長：大田 竜也, 那須 浩郎)</p> <p>S4-1 考古植物学からみた日本列島における栽培植物の来歴. 那須 浩郎^{1*} (¹岡山理科大学)</p> <p>S4-2 日本ウルシの起源. 菅 裕^{1*}, 石崎 陽子², 傳保 聖太郎¹, 吉田 千夏², 山内 耕祐³, 渡辺 敦史⁴, 椎名 隆² (¹県立広島大学, ²摂南大学, ³NPO 法人丹波漆, ⁴九州大学)</p> <p>S4-3 アズキの起源が日本であることを示す集団ゲノム解析. 内藤 健^{1*} (¹農研機構)</p> <p>S4-4 栽培グリと野生グリを地理的遺伝構造からみるニホングリの栽培化の歴史. 西尾 聡悟^{1*} (¹農研機構)</p> <p>S4-5 集団遺伝学解析によるソバの栽培化と拡散過程の解明. Jeffrey Fawcett^{1*} (¹RIKEN)</p> | <p>O9 口頭発表 (座長：三浦 徹, 田中 幹子)</p> <p>O9-1 環形動物ミドリシリスにおけるストロナイゼーションの発生基盤. 三浦 徹^{1*}, 中村 真悠子¹, 佐藤 大介¹, 本藤 あゆみ¹, 小口 晃平^{1,2} (¹東京大学, ²東海大学)</p> <p>O9-2 ホヤ胚動物半球におけるPI3K 依存的な細胞運動はエピボリーと内胚葉の陥入に関わる. 高島 直士^{1*}, 吉川 歩実¹ (¹東京都立大学)</p> <p>O9-3 ヤツメウナギの三叉神経運動枝から探る脊椎動物の口器運動の進化. 田村 元樹^{1*}, 鈴木 大地¹ (¹筑波大学)</p> <p>O9-4 ニワトリ嗅覚情報処理におけるドーパミンシステムの保存された役割. 藤田 俊之^{1*}, 山口 真二¹ (¹帝京大学)</p> <p>O9-5 エミューの前肢の骨格の形態形成を制御する遺伝的要因と外的要因. 坪井 絵里子¹, 小野 沙桃実¹, Ingrid Rosenburg Cordeiro¹, 湯 玲子¹, 河西 通¹, 小泉 誠², 重信 秀治³, Guojun Sheng⁴, 岡部 正隆², 田中 幹子^{1*} (¹東京工業大学, ²慈恵医科大学, ³基生研, ⁴熊本大学)</p> <p>O9-6 哺乳類の頭部における新たな骨 X の発見. 古寺 敏子^{1*}, 武智 正樹^{1,2}, Zhe-Xi Luo³, 飛龍 志津子⁴, 長谷 一磨⁵, 福井 大⁶, 野尻 太郎¹, 目黒 史也⁷, 東山 大毅⁸, 小藪 大輔^{2,7} (¹順天堂大学, ²東京医科歯科大学, ³Univ Chicago, ⁴同志社大学, ⁵富山大学, ⁶東京大学, ⁷筑波大学, ⁸総合研究大学院大学)</p> <p>O9-7 哺乳類の歯の形態変異を制御する遺伝領域の特定：人類進化モデルとしてのスunks. 森田 航^{1,2*}, 目加田 和之³, 深澤 翔子³, 壇上 久留美³, 布施川 実花³, 山中 淳之⁴ (¹科博, ²東京大学, ³岡山理科大学, ⁴鹿児島大学)</p> <p>O9-8 横紋筋の伸展を担う巨大弾性蛋白質コネクチンの起源と進化. 花島 章^{1*}, 臼居 優¹, 橋本 謙¹, 毛利 聡¹ (¹川崎医科大学)</p> | <p>O10 Oral presentation (Chair: Kohta Yoshida, Motomu Matsui)</p> <p>O10-1 Common rules in the hybrid genome compositions of <i>Chaenogobius annularis</i>. Shuya Kato^{1*}, Atsushi J. Nagano^{2,3}, Takehiko Ito⁴, Atsushi Toyoda⁵, Kiyoshi Kikuchi¹, Shotaro Hirase¹ (¹Univ Tokyo, ²Ryukoku Univ, ³Keio Univ, ⁴Tokyo Institute of Technology, ⁵National Institute of Genetics)</p> <p>O10-2 Genetic basis of color vision polymorphisms in local medaka populations. Tokiho Akiyama^{1*}, Remi Kasahara¹, Shoji Oda², Motoyuki Ogawa¹, Takafumi Katsumura¹ (¹Kitasato Univ, ²Univ Tokyo)</p> <p>O10-3 Genomic landscape and diversity among nematode-trapping fungi for illuminating the evolutionary background of predatory ability. Tomoyo Iizuka^{1,2*}, Chih-Yen Kuo^{1,3}, Guillermo Vidal-Diez de Ulzurrun¹, Hung-Che Lin¹, Yen-Ping Hsueh^{1,3} (¹Academia Sinica, Taiwan, ²National Institute of Genetics, ³National Defense Medical Center)</p> <p>O10-4 Helper NLR immune protein NRC3 evolved to evade inhibition by a cyst nematode virulence effector. Yu Sugihara^{1*}, Jiorgos Kourelis², Mauricio P. Contreras³, Hsuan Pai³, Muniyandi Selvaraj³, AmirAli Toghiani³, Claudia Martínez-Anaya⁴, Sophien Kamoun³ (¹Iwate Biotechnology Research Center, ²Imperial College London, ³The Sainsbury Laboratory, ⁴Instituto de Biotecnología)</p> <p>O10-5 Estimation of convergent evolution of amino acid sequence and substrate specificity of AGT2 in carnivorous plants. Shunsuke Kanamori^{1*}, Kenji Fukushima¹ (¹National Institute of Genetics)</p> <p>O10-6 Evolutionary dynamics under near neutrality: Population genomics of synonymous mutations in <i>Drosophila</i>. Haruka Yamashita^{1*}, Kent Kawashima², Tomotaka Matsumoto¹, Ziheng Yang³, Hiroshi Akashi¹ (¹National Institute of Genetics, ²SOKENDAI, ³University College London)</p> <p>O10-7 Three-dimensional range expansions and comparison of different migration modes. Kotsar Yurii^{1,2*}, Matsuoka Hikaru², Tamiya Gen^{1,2}, Narita Akira¹ (¹Tohoku Univ, ²RIKEN)</p> <p>O10-8 Trends and Patterns of Single-Base Substitutions in Evolution: A Comparative Analysis. Mariko Nakagawa^{1*}, Martin C. Frith^{1,2} (¹Univ Tokyo, ²Computational Bio Big-Data Open Innovation Laboratory)</p> |

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) * |
|---------------|---|---|---|--|---|
| 15:00 ~ 17:00 | <p>S5 Evolution of species in Asia (Chair: Yoko Satta)</p> <p>S5-1 Evolution of Fatty Acid Elongase Gene Family in <i>Drosophila</i>. Chung-Hui Ho¹, Yu-Chien Lin¹, Shu Fang², Chau-Ti Ting^{1*} (¹National Taiwan Univ, ²Biodiversity Research Institution, Academia Sinica)</p> <p>S5-2 The evolution of dragonflies and their superior visual ability. Haomiao Zhang¹, Xuemei Lyu^{1*} (¹Kunming Institute of Zoology, Chinese Academy of Sciences)</p> <p>S5-3 Exploring the Role of Transposable Elements in <i>Opsariichthys Speciation</i>. Jui-Hung Tai^{1,2}, Tzi-Yuan Wang³, Yu-Wei Wu⁴, Feng-Yu Wang⁵, Shih-Pin Huang³, Te-Yu Liao⁶, Shu-Miaw Chaw³, Hurng-Yi Wang^{1,2*} (¹National Taiwan Univ. and Academia Sinica, ²National Taiwan Univ, ³Biodiversity Research Center, Academia Sinica, ⁴Taipei Medical Univ, ⁵Taiwan Ocean Research Institute, National Applied Research Laboratories, ⁶National Sun Yat-sen Univ)</p> <p>S5-4 Inferring evolutionary history and admixed genetic ancestry of the Taiwanese Siraya people. Wen-Ya Ko^{1*}, Wei-Chen Pan¹, Jia-Ni Zeng¹, Kuan-Tsen Lin¹, Jun-Hun Loo², Yoko Satta³, Marie Lin² (¹National Yang Ming Chiao Tung Univ, ²Mackay Memorial Hospital, ³SOKENDAI)</p> <p>S5-5 Jomon people from a genomic perspective. Hiroki Oota^{1*} (¹Univ Tokyo)</p> <p>S5-6 Genome analyses of Japanese Azuki beans. Tatsuya Ota^{1*}, Hiroo Nasu² (¹SOKENDAI, ²Okayama Univ Sci)</p> | <p>W5 パンゲノム解析から見出されるゲノム多様性 (座長：花田 耕介)</p> <p>W5-1 シロイヌナズナ集団に出現した de-novo 遺伝子の探索. 花田 耕介^{1*} (¹九州工業大学)</p> <p>W5-2 パンゲノム解析から見えてきた野生イネ属遺伝資源のゲノム多様性と形質多様性の発現. 佐藤 豊^{1*} (¹遺伝研)</p> <p>W5-3 多様なショウジョウバエのゲノム解析から捉える性染色体進化. 野澤 昌文^{1*} (¹東京都立大学)</p> <p>W5-4 ヒトや病原菌ゲノムにおける変異/多型の包括的解析. 藤本 明洋^{1*} (¹東京大学)</p> | <p>S6 サトイモ科植物をとりまくユニークな進化研究 (座長：本橋 令子, 村中 智明)</p> <p>S6-1 サトイモの系統解析と渡来起源について. 本橋 令子^{1*}, 斉藤 惟奈¹, 藤井 浩¹, 長田 直樹², 小西 達夫³ (¹静岡大学, ²北海道大学, ³進化生物研)</p> <p>S6-2 タロイモショウジョウバエ属内の系統進化・系統地理：特に <i>cristata</i> 種群の繁殖特性と関連して. 高野 宏平^{1*}, 佐藤 柊介², 加藤 徹², 三宅 崇³, 戸田 真憲² (¹長野県環境研, ²北海道大学, ³岐阜大学)</p> <p>S6-3 日本列島で急速に多様化したテンナンショウ属が示す種特異的キノコバエ送粉者の利用. 松本 哲也^{1*} (¹茨城大学)</p> <p>S6-4 ザゼンソウ属のゲノム比較からわかる発熱誘導機構の進化. 佐藤 光彦^{1*}, 田中 裕之², 高野 宏平³, 豊田 敦⁴, 伊藤 武彦², 白澤 健太¹, 稲葉 靖子⁵ (¹かずさ DNA 研, ²東京工業大学, ³長野県環境研, ⁴遺伝研, ⁵宮崎大学)</p> <p>S6-5 ウキクサから考える開花期の多様化メカニズム. 村中 智明^{1*} (¹名古屋大学)</p> | <p>O11 口頭発表 Oral presentation (座長：山道 真人, 長谷川 克)</p> <p>O11-1 Eco-evolutionary coexistence theory of prey rapid evolution. Masato Yamamichi^{1*} (¹National Institute of Genetics)</p> <p>O11-2 ステージ構造化された相利共生の進化モデル：子を助けるか、親を助けるか、両方を助けるか. 仲澤 剛史^{1*}, 片山 昇², 内海 俊介³, 山尾 瞭⁴, 山道 真人⁵ (¹国立成功大学, ²小樽商科大学, ³北海道大学, ⁴京都大学, ⁵遺伝研)</p> <p>O11-3 複雑な生活環を簡約化する手法. 入谷 亮介^{1*}, Troy Day² (¹理研, ²Queen's Univ)</p> <p>O11-4 植物の生育には系統ごとに異なる土壌微生物との関係が大切. 番場 大^{1*}, Turgut Yigit Akyl², 東 優佑¹, Johan Quilbe², Stig Uggerhoj Andersen², 佐藤 修正¹ (¹東北大学, ²Aarhus Univ)</p> <p>O11-5 擬態とカモフラージュの概念的整理. 浅利 みなと^{1*} (¹東京都立大学)</p> <p>O11-6 ツバメ類の燕尾は生存選択ではなく性選択で進化した. 長谷川 克^{1*}, 新井 絵美² (¹石川県立大学, ²地球研)</p> <p>O11-7 集団史の混血グラフにおける分化時期、有効集団サイズ、混合回数統計的推測. 中道 礼一郎^{1*}, 北田 修一², 岸野 洋久³ (¹水産研究・教育機構, ²東京海洋大学, ³中央大学)</p> <p>O11-8 進化を最初に学ぶ：新学習指導要領がもたらす教育的効果. 長山 定正^{1*} (¹東京大学)</p> | <p>O12 Oral presentation (Chair: Yosuke Seto, Jeffrey Fawcett)</p> <p>O12-1 Sharks and rays share long-standing sex chromosomes without dosage compensation. Taiki Niwa^{1,2*}, Yoshinobu Uno³, Yuta Ohishi⁴, Susumu Hyodo³, Shigehiro Kuraku^{1,4} (¹NIG, ²SOKENDAI, ³Univ Tokyo, ⁴RIKEN)</p> <p>O12-2 Evolutionary genomics of transparent muscle innovation in transparent ghost catfish. Yunfan Jia^{1*}, Mitsuto Aibara¹, Tatsuki Nagasawa¹, Masaki Fujita², Yasuhiro Ando², Takehiko Ito¹, Masato Nikaido¹ (¹Tokyo Institute of Technology, ²Hokkaido Univ 遺伝研)</p> <p>O12-3 Transcriptome and epigenome diversification underlying freshwater colonization in sticklebacks. Liang Liu^{1*}, Jun Kitano², Asano Ishikawa¹ (¹Univ Tokyo, ²National Institute of Genetics)</p> <p>O12-4 Possibly deleterious mitochondrial gene duplications widespread among cichlid fishes in Lake Victoria basin. Ryo Hatashima^{1*}, Masato Nikaido¹ (¹Tokyo Institute of Technology)</p> <p>O12-5 Unpredictable diversification of enzyme complex structures brought by convergent gene fusions. Naoki Konno^{1*}, Keita Miyake¹, Satoshi Nishino¹, Kimiho Omae^{1,2}, Haruaki Yanagisawa¹, Saburo Tsuru¹, Chikara Furusawa^{1,2}, Masahide Kikkawa¹, Wataru Iwasaki¹ (¹Univ Tokyo, ²RIKEN)</p> <p>O12-6 Probability-based sequence comparison finds the oldest-ever nuclear mitochondrial DNA segments in the human genome. Muyao Huang^{1*}, Frith Martin¹ (¹Univ Tokyo)</p> <p>O12-7 Detecting ongoing natural selection affecting allele frequencies across generations to uncover genetic variants contributing to disease susceptibilities. Jing-Lian Chen^{1*}, Mei-Ling Kang¹, Jun-Hun Loo², Marie Lin², Yoko Satta³, Wen-Ya Ko¹ (¹Natl Yang Ming Chiao Tung Univ, ²Mackay Mem. Hosp. ³SOKENDAI)</p> <p>O12-8 Contrasting mode of birth and death evolution in olfactory receptor gene family between omnivorous cercopithecine and highly folivorous colobine primates. Min Hou^{1*}, Muhammad Shoaib Akhtar¹, Yoshihito Niimura², Amanda D. Melin³, Shoji Kawamura¹ (¹Univ Tokyo, ²Univ Miyazaki, ³Univ Calgary)</p> |
| 17:00 ~ 18:00 | <p>ポスター発表 (14号館 地階) Poster presentation (Ground floor, Building No.14) コアタイム (17:00~ 17:30 偶数番号、17:30~ 18:00 奇数番号) Presentation time (17:00~ 17:30 and 17:30~ 18:00 for those with even and odd number, respectively)</p> | | | | |

| | Room A (14-103) | Room B (14-104) | Room C (14-201) | Room D (14-202) | Room E (14-203) |
|---------------|--|---|--|---|--|
| 10:00 ~ 12:00 | <p>S7 Evolutionary studies of eating (Chair: Takashi Hayakawa, Masato Nikaido)</p> <p>S7-1 Epigenetic regulation through histone H3K9 trimethylation mediates adaptation to dietary carbohydrates in <i>Drosophila</i> species. Kaori Watanabe¹, Mari Taguchi¹, Tadashi Uemura^{1,2}, Yukako Hattori^{1,3*} (¹Kyoto Univ, ²AMED-CREST, ³JST FOREST)</p> <p>S7-2 Relationship between the eucalypt food selection and the gut microbiome of koalas. Kotaro Kondo^{1*} (¹Hokkaido Univ)</p> <p>S7-3 Feeding the infant gut microbiome: How human milk oligosaccharides in breastmilk structure bifidobacterial communities. Miriam N. Ojima^{1*}, Lin Jiang², Aleksandr A. Arzamasov³, Keisuke Yoshida⁴, Toshitaka Odamaki⁴, Jinzhong Xiao⁴, Aruto Nakajima¹, Motomitsu Kitaoka⁵, Junko Hirose⁶, Tadasu Urashima⁷, Toshihiko Kato¹, Aina Gotoh¹, Douwe van Sinderen⁸, Dmitry A. Rodionov³, Andrei L. Osterman³, Mikiyasu Sakanaka¹, Takane Katayama¹ (¹Kyoto Univ., ²Georgia Institute of Technology, ³Sanford Burnham Prebys Medical Discovery Institute, ⁴Morinaga Milk Industry Co., Ltd., ⁵Niigata Univ, ⁶Kyoto Women's Univ., ⁷Obihiro Univ Agriculture and Veterinary Medicine, ⁸Univ. College Cork)</p> <p>S7-4 Dramatic Dietary Shift Maintains Sequestered Toxins in Chemically Defended Snakes. Takato Inoue^{1*} (¹Nagoya Univ)</p> <p>S7-5 Molecular landscape of parallel evolution in hypertrophied-lip cichlids: An integrative comparative analysis of histology, proteomics, and transcriptomics. Nagatoshi Machii^{1*}, Ryo Hatashima¹, Tatsuya Niwa¹, Hideki Taguchi¹, Ismael A. Kimirei², Hillary D. J. Mrosso², Mitsuo Aibara¹, Tatsuki Nagasawa¹, Masato Nikaido¹ (¹Tokyo Institute of Technology, ²TAFIRI)</p> <p>S7-6 Shark and ray T2Rs illuminate the evolutionary origins of bitter taste receptors in vertebrates. Akihiro Itoigawa^{1*} (¹Meiji Univ)</p> | <p>W6 染色体の数と形の多様性 (座長: 田辺 秀之, 宇野 好宣)</p> <p>W6-1 はじめに: ゲノム時代の染色体観察の重要性. 田辺 秀之^{1*} 宇野 好宣² (¹総合研究大学院大学, ²東京大学)</p> <p>W6-2 ドジョウで見られる倍数性変異と特殊な生殖機構. 黒田 真道^{1*} (¹東京農業大学)</p> <p>W6-3 染色体の多様性が照らす植物の種分化と分類. 佐藤 杏子^{1*} (¹富山大学)</p> <p>W6-4 植物の「そぞろ歩くセントロメア」. 長岐 清孝^{1*} (¹岡山大学)</p> <p>W6-5 線虫の染色体数の変化にともなう種分化、ゲノム進化、性決定の進化. 吉田 恒太^{1*} (¹新潟大学)</p> <p>W6-6 爬虫類の染色体の多様性と進化. 松原 和純^{1*} (¹中部大学)</p> <p>W6-7 大きい染色体と小さい染色体: 染色体サイズの多様性. 向井 康比己^{1*} (¹大阪教育大学)</p> | <p>S8 木村の2変数法に始まる塩基置換研究の現在 (座長: 田村 浩一郎, 河合 洋介)</p> <p>S8-1 分子系統解析のための塩基置換パターン推定と多重置換数補正. 田村 浩一郎^{1*} (¹東京都立大学)</p> <p>S8-2 酵素が引き起こす突然変異を時間非対称モデルで解析する. 三澤 計治^{1,2*} (¹横浜市立大学, ²理研)</p> <p>S8-3 異なる宿主域を持つ IncP-1 プラスミドの塩基組成の定常性評価. 鈴木 治夫^{1*} (¹慶應義塾大学)</p> <p>S8-4 がんにおける変異の特徴. 藤本 明洋^{1*} (¹東京大学)</p> <p>S8-5 ヒトゲノムにおける塩基置換の対称性の検証. 河合 洋介^{1*} (¹国立国際医療研究セ)</p> | <p>S9 動物の集団性の進化を探る: ゲノム、神経からロボティクスまで (座長: 佐藤 大気, 田中 良弥)</p> <p>S9-1 ショウジョウバエにおける対捕食者集団行動の神経・ゲノム基盤. 佐藤大気^{1*}, 高橋佑磨¹ (¹千葉大学)</p> <p>S9-2 ショウジョウバエを用いた群れ行動を制御する遺伝子・神経機構の解明. 野崎 友花^{1*}, 川嶋 宏彰², 山ノ内 勇斗¹, 上川内 あづさ¹, 田中 良弥¹ (¹名古屋大学, ²兵庫県立大学)</p> <p>S9-3 小型魚類を用いた集団行動の神経基盤の理解へ. 津田 佐知子^{1*} (¹埼玉大学)</p> <p>S9-4 観察恐怖における腹内側前頭前野の機能と自他の神経表象. 黄 子彦^{1*}, 奥山 輝大¹ (¹東京大学)</p> <p>S9-5 鳥類の個体間・母子間コミュニケーション. 新村 毅^{1*} (¹東京農工大学)</p> | |
| 12:00 ~ 13:30 | | | | | 特別企画「かっこいい研究イラストで差をつけよう! プロのサイエンスイラストレーターとのコラボってどうやるの!？」 |

| | |
|---------------|---|
| 11:30 ~ 13:00 | <p>高校生ポスター発表 (14号館 2階) Poster presentation by K12 (2F, Building No.14)</p> |
| 13:30 ~ 15:30 | <p>プレナリー講演2 (2号館 2S-101室) Prenary talk 2 (Room 2S-101, Building No.2)</p> <p>木村資生 生誕100周年 The 100th anniversary of the birth of the late Dr. Motoo Kimura</p> <p>Chair: Yoko Satta (SOKENDAI)</p> <p>ゲノム時代のキムラ 高畑 尚之 (総合研究大学院大学)</p> <p>Revisiting the Neutral Theory of Molecular Evolution Jianzhi (George) Zhang (Univ Michigan)</p> |
| 15:40 ~ 16:30 | <p>高校生ポスター表彰式 (2号館 2S-101) Award ceremony for K12 posters (Room 2S-101, Building No.2)</p> <p>総会 (2号館 2S-101) 2024 general meeting for society members (Room 2S-101, Building No.2)</p> |
| 16:30 ~ 16:50 | <p>授賞式 (2号館 2S-101) Society award ceremony (Room 2S-101, Building No.2)</p> |
| 16:50 ~ 17:50 | <p>受賞講演 (2号館 2S-101) Talk by 2024 Eminent Evolutionist Award recipient (Room 2S-101, Building No.2)</p> |
| 18:00 ~ 20:00 | <p>Gala (Café lounge 14, Building No14 Ground floor) 懇親会 (14号館 地階 カフェラウンジ14)</p> |

| | |
|---------------|---|
| 10:00 ~ 12:30 | <p>進化学夏の学校 (講義室) Summer School for evolutionary studies (In Japanese)</p> <p>次世代シーケンサーを用いたゲノム多様性解析入門</p> <p>司会： 神澤 秀明 (国立科学博物館)</p> <p>集団ゲノム学入門 木村 亮介 (琉球大学) 次世代シーケンサーを用いたゲノム多様性解析の概要 長田 直樹 (北海道大学) ゲノムデータから集団サイズの変化を推定する方法 河合 洋介 (国立国際医療研究センター) ターゲットシーケンスの原理と解析法 松波 雅俊 (琉球大学) 動植物のゲノム解析とアセンブリ入門 藤原 一道 (国立遺伝学研究所)</p> |
| 13:30 ~ 16:00 | <p>市民公開講座 (SEISA ミュージアムシアター) Public seminars (In Japanese)</p> <p>形・DNA・行動から動物の進化をさぐるー恐竜からニワトリ・クジラへ</p> <p>司会： 颯田 葉子 (総合研究大学院大学)</p> <p>化石から脊椎動物の進化の謎を解く 平沢 達矢 (東京大学) 世界を変えた奇跡の動物 ~DNAから解き明かす家畜の起源と歴史~ 米澤 隆弘 (広島大学) 海の哺乳類からのメッセージ 田島 木綿子 (国立科学博物館)</p> |